

## Réunion thématique de l'axe 1 du CNO

### L'analyse bio-informatique et l'intelligence artificielle appliquées à la gestion et la mise en valeur des données "omics" dans le domaine de la recherche en oncologie.

Mardi 22 juin 2021 (13h30-17h) - Format Digital

- 13h30 - 13h40 **Introduction**
- 13h40 - 14h05 **bilille - Plateforme de bioinformatique Lilloise.**  
Jimmy VANDEL, Plateforme bilille - UMS 2014 / US 41 Plateformes Lilloises en Biologie et Santé, Lille
- 14h05 - 14h30 **Bioinformatique pour l'analyse de données de séquençage à haut débit**  
Hélène TOUZET, CRISAL, Lille
- 14h30 - 14h55 **L'analyse des variants génétiques rares dans les études d'association à partir des données de séquençage à haut débit.**  
Valentin Harter, Centre de Traitement des Données du Cancéropôle Nord-Ouest, Caen
- 14h55 - 15h20 **Utilisation des barcodes moléculaires (UMI) dans le séquençage de nouvelle génération (NGS).**  
Vincent SATER, LITIS EA 4108, Rouen
- 15h20 - 15h45 **Amélioration de la prédiction bioinformatique des cibles des microARN par l'agrégation des rangs : application au phéochromocytome, une tumeur neuroendocrine.**  
Christophe DUBESSY, Normandie Univ, UNIROUEN, INSERM, PRIMACEN, Laboratoire Différenciation et Communication Neuronale et Neuroendocrine, Rouen
- 15h45 - 16h10 **Caractéristiques profondes globales et locales (Deep-radiomics) en imagerie TEP pour la prédiction de la survie grâce réseau neuronal profond multitâche et multi-échelle.**  
Romain MODZELEWSKI, QUANTIF/LITIS - Centre Henri Becquerel, Rouen
- 16h10 - 17h00 : **Discussions sur les perspectives de recherche en Nord-Ouest**

**Comité d'organisation** : Antoine Galmiche, Alexandra Martins, Laurent Poulain, David Tulasne

Inscription : <https://www.escape.canceropole-nordouest.org/#/manifestation/subscription/33>